

Laboklin GmbH & Co. KG, Steubenstraße 4, 97688 Bad Kissingen

Pinscher-Schnauzer-Klub (PSK) e.V.
Barmer Str. 80
42899 Remscheid
Deutschland

Untersuchungsbefund Nr.: 2511-W-191862

Probeneingang: 05.11.2025
Datum Befund: 17.11.2025
Untersuchungsbeginn: 05.11.2025
Untersuchungsende: 17.11.2025
Befundstatus: Endbefund

Tierart:
Rasse:
Geschlecht:
Name:
Zuchtbuchnummer:
Chipnummer:
Geburtsdatum / Alter:
Probenmaterial:
Probenentnahme:
Probennehmer:
Patientenbesitzer:
EDV-Nummer / Befund-ID:

Hund
Deutscher Pinscher
männlich
Sunny vom Ettaler Mandl
VDH20DP03006750
276098108193060
20.08.2020
EDTA-Blut
04.11.2025
Dr. Jasmin Schrötter
Meier, Bianca

Premium SNP DNA-Profil (ISAG 2020)

001_012: GG GG AG GG AA GG GG GG AC AA GG
013-024: AA GG AG GG AG GG GG AG AA GG AA AG
025-036: GG GG AG AG GG GG AG AG GG AA GG AG
037-048: AG AG AA CC AA GG GG GG AA AA GG AA
049-060: AG AC GG AA AG GG GG AC AA AA AA CC
061-072: CC AC GG AA AG AG AG AG AA AA AC AA
073-084: GG CC AG AA CC AA GG AG AA AG AA AC
085-096: AA GG GG AA GG GG CC AG AA GG AG GG
097-108: AA GG GG AG AA CC GG AA GG GG AG GG
109-120: AA GG AC AA GG AA GG GG AA GG GG GG
121-132: AA AA GG AG GG AG GG AG GG AA GG GG
133-144: GG AG AA GG AA GG GG AA AG AA AG AG
145-156: AA GG AG AG AA AA AG CC AA GG GG GG
157-168: AA AG GG CC AC AG AA AG GG GG CC AA
169-180: AG AG AC GG AA AG GG AA AG AA AA GG
181-192: AA GG GG AG AA GG AG GG AG GG AG AA
193-204: AA AG AG GG GG GG AG AG AA GG GG AA
205-216: GG GG AG AG AG AA AA GG AA AA AA AA
217-228: AA GG AA CC AG AA GG AG GG AA CC AA
229-230: CC AC
sex: X/Y

Informationen zum Premium SNP DNA-Profil

Das Premium SNP DNA-Profil ist der genetische Fingerabdruck Ihres Tieres und erlaubt seine eindeutige Identifizierung. Es bleibt das ganze Leben lang gleich und kann nicht manipuliert werden. Jedes bei uns erstellte DNA-Profil wird in unserer DNA-Datenbank gespeichert und steht Ihnen so dauerhaft zur Verfügung. Das DNA-Profil beinhaltet keine Informationen zu Merkmalen oder zu Krankheiten Ihres Tieres. Das Premium SNP DNA-Profil begutachtet alle von der ISAG empfohlenen SNPs aus dem Kernpanel (1) und dem Zusatzpanel (2) (nummeriert von 001-230). Die folgende Tabelle zeigt die entsprechende international geltende ISAG Nomenklatur (Cfam_Chromosom:Position) der untersuchten SNPs.

Num Panel Chr:Pos

001	1	Cfam_1:3962719	002	1	Cfam_1:20842130	003	1	Cfam_1:70238933	004	1	Cfam_1:80971770	005	1	Cfam_1:106430955
006	1	Cfam_1:119414584	007	1	Cfam_2:2610859	008	1	Cfam_2:38293797	009	1	Cfam_2:77806065	010	1	Cfam_3:1252765
011	1	Cfam_3:24757939	012	1	Cfam_3:73570828	013	1	Cfam_4:31301072	014	1	Cfam_4:64121754	015	1	Cfam_4:75910211
016	1	Cfam_4:86049027	017	1	Cfam_5:5410890	018	1	Cfam_5:26320165	019	1	Cfam_5:85451804	020	1	Cfam_6:11553458
021	1	Cfam_6:33976751	022	1	Cfam_6:64006720	023	1	Cfam_7:76294	024	1	Cfam_7:15011628	025	1	Cfam_7:36555518
026	1	Cfam_8:5291824	027	1	Cfam_8:18121580	028	1	Cfam_8:45852939	029	1	Cfam_8:63196958	030	1	Cfam_9:22610227
031	1	Cfam_9:40096141	032	1	Cfam_9:52710991	033	1	Cfam_9:60437147	034	1	Cfam_10:10652659	035	1	Cfam_10:22409408
036	1	Cfam_10:30034450	037	1	Cfam_10:66922269	038	1	Cfam_11:5318488	039	1	Cfam_11:23907101	040	1	Cfam_11:65603333
041	1	Cfam_12:5579055	042	1	Cfam_12:35306641	043	1	Cfam_12:55201839	044	1	Cfam_12:68125319	045	1	Cfam_13:8704192
046	1	Cfam_13:59896033	047	1	Cfam_14:50063321	048	1	Cfam_14:58465266	049	1	Cfam_15:19299365	050	1	Cfam_15:22834903
051	1	Cfam_16:29634940	052	1	Cfam_16:46884446	053	1	Cfam_16:57958947	054	1	Cfam_17:10649078	055	1	Cfam_17:34462308
056	1	Cfam_17:39124697	057	1	Cfam_18:6745949	058	1	Cfam_18:54361347	059	1	Cfam_19:841347	060	1	Cfam_19:15926130
061	1	Cfam_19:27288167	062	1	Cfam_19:47470564	063	1	Cfam_20:13740894	064	1	Cfam_20:49900586	065	1	Cfam_20:57167714
066	1	Cfam_21:15558670	067	1	Cfam_21:25537675	068	1	Cfam_21:35719434	069	1	Cfam_22:641125	070	1	Cfam_22:26694580
071	1	Cfam_22:55308193	072	1	Cfam_23:42886681	073	1	Cfam_23:50772488	074	1	Cfam_24:23393510	075	1	Cfam_24:29909901
076	1	Cfam_24:47381908	077	1	Cfam_25:2073511	078	1	Cfam_25:33986348	079	1	Cfam_25:47708600	080	1	Cfam_26:20004896
081	1	Cfam_26:35071515	082	1	Cfam_27:2619058	083	1	Cfam_27:22599860	084	1	Cfam_27:41049333	085	1	Cfam_28:9877730
086	1	Cfam_28:18509221	087	1	Cfam_28:38885325	088	1	Cfam_29:251970	089	1	Cfam_29:9625359	090	1	Cfam_29:17561258
091	1	Cfam_29:36319325	092	1	Cfam_30:3896482	093	1	Cfam_30:15542105	094	1	Cfam_30:32852404	095	1	Cfam_31:21068798
096	1	Cfam_31:39391935	097	1	Cfam_32:679380	098	1	Cfam_32:17792284	099	1	Cfam_32:32382778	100	1	Cfam_33:15018500
101	1	Cfam_33:23742061	102	1	Cfam_34:195313	103	1	Cfam_34:24396298	104	1	Cfam_35:15345329	105	1	Cfam_36:3565500
106	1	Cfam_36:12714421	107	1	Cfam_36:23459390	108	1	Cfam_37:9398945	109	1	Cfam_37:15436615	110	1	Cfam_37:27667297
111	1	Cfam_38:9224942	112	1	Cfam_38:17657161	113	1	Cfam_38:20441216	114	2	Cfam_1:72613047	115	2	Cfam_1:74450772
116	2	Cfam_1:119306331	117	2	Cfam_3:10255068	118	2	Cfam_3:37849557	119	2	Cfam_3:43055696	120	2	Cfam_3:43063677
121	2	Cfam_3:64084413	122	2	Cfam_3:90291255	123	2	Cfam_3:91626907	124	2	Cfam_4:42104780	125	2	Cfam_4:67040898
126	2	Cfam_4:70217695	127	2	Cfam_5:13080303	128	2	Cfam_5:36642434	129	2	Cfam_5:44650576	130	2	Cfam_5:55349573
131	2	Cfam_5:64611038	132	2	Cfam_7:3318809	133	2	Cfam_7:6423299	134	2	Cfam_7:15017979	135	2	Cfam_7:76487265
136	2	Cfam_8:6188937	137	2	Cfam_8:19076567	138	2	Cfam_8:24614720	139	2	Cfam_8:52381322	140	2	Cfam_8:67183794
141	2	Cfam_9:20867959	142	2	Cfam_9:32506288	143	2	Cfam_9:50114927	144	2	Cfam_9:56021221	145	2	Cfam_10:8085469
146	2	Cfam_10:14685262	147	2	Cfam_10:39548483	148	2	Cfam_10:47923623	149	2	Cfam_10:57954366	150	2	Cfam_11:1161870
151	2	Cfam_11:62157625	152	2	Cfam_11:70698603	153	2	Cfam_12:6337286	154	2	Cfam_12:8532712	155	2	Cfam_12:23059939
156	2	Cfam_12:40681020	157	2	Cfam_12:70657733	158	2	Cfam_13:40616856	159	2	Cfam_14:55735620	160	2	Cfam_16:29675662
161	2	Cfam_16:58093031	162	2	Cfam_17:9407683	163	2	Cfam_17:12787849	164	2	Cfam_17:57371669	165	2	Cfam_18:10189759
166	2	Cfam_18:16385020	167	2	Cfam_18:16388978	168	2	Cfam_18:31579269	169	2	Cfam_18:47325586	170	2	Cfam_19:30246414
171	2	Cfam_19:40189405	172	2	Cfam_19:42756283	173	2	Cfam_20:6046176	174	2	Cfam_20:45777531	175	2	Cfam_20:48602465
176	2	Cfam_21:22581321	177	2	Cfam_21:29796784	178	2	Cfam_21:31751817	179	2	Cfam_22:20498421	180	2	Cfam_22:33934047
181	2	Cfam_22:37522364	182	2	Cfam_22:39647748	183	2	Cfam_22:61153661	184	2	Cfam_23:44497217	185	2	Cfam_23:48055836
186	2	Cfam_24:18599997	187	2	Cfam_24:27925354	188	2	Cfam_24:30954773	189	2	Cfam_24:43589304	190	2	Cfam_24:45191477
191	2	Cfam_25:4614777	192	2	Cfam_27:20948372	193	2	Cfam_27:34444177	194	2	Cfam_27:42526114	195	2	Cfam_28:9703418
196	2	Cfam_28:12804225	197	2	Cfam_28:34478533	198	2	Cfam_28:35104850	199	2	Cfam_29:4020192	200	2	Cfam_29:4022252
201	2	Cfam_29:19681270	202	2	Cfam_29:22992304	203	2	Cfam_30:10012939	204	2	Cfam_30:11735245	205	2	Cfam_30:27619023
206	2	Cfam_31:20912553	207	2	Cfam_32:13183511	208	2	Cfam_33:15233992	209	2	Cfam_33:22070526	210	2	Cfam_33:22472901
211	2	Cfam_33:22648231	212	2	Cfam_34:24351570	213	2	Cfam_34:34993916	214	2	Cfam_34:37323213	215	2	Cfam_34:41703614
216	2	Cfam_35:15283717	217	2	Cfam_36:288045	218	2	Cfam_36:9241262	219	2	Cfam_36:10084888	220	2	Cfam_36:12723744
221	2	Cfam_36:18627936	222	2	Cfam_37:18338930	223	2	Cfam_37:26611359	224	2	Cfam_37:28611801	225	2	Cfam_37:30110473
226	2	Cfam_37:30902202	227	2	Cfam_38:13098194	228	2	Cfam_38:15271384	229	2	Cfam_38:19172567	230	2	Cfam_38:20930997

Freischaltcode:

053271360345C12E

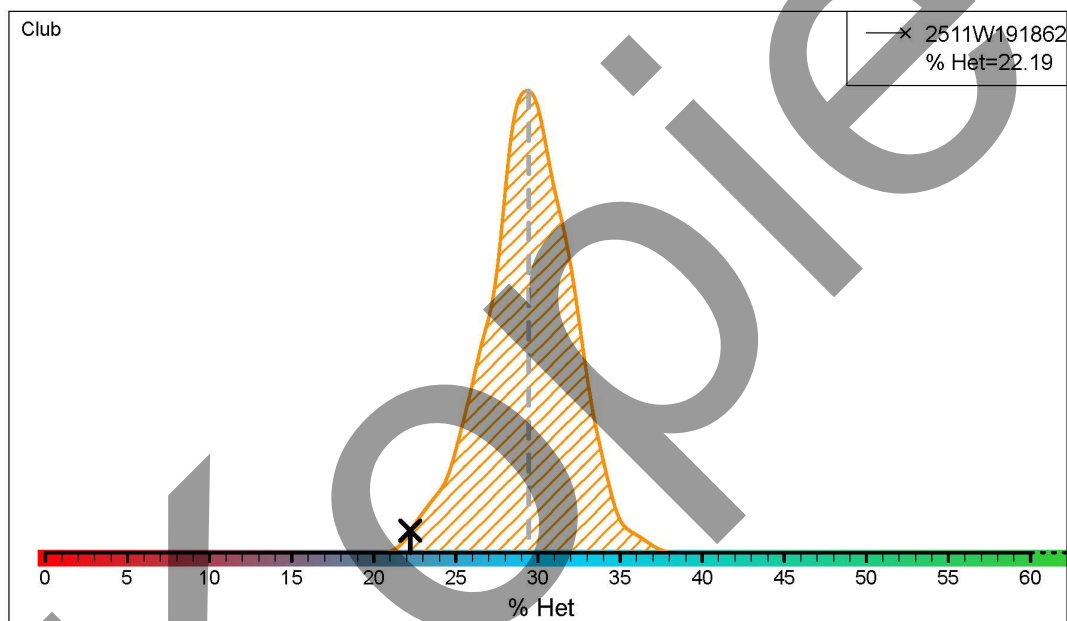
Der Freischaltcode dient zur Registrierung Ihres Tieres im Labogen Diversity Check unter diversity.labogen.com. Der Code ist nur einmalig einlösbar. Der Labogen Diversity Check zeigt Ihnen immer die aktuellsten genetischen Rassedaten aus dem Premium SNP DNA-Profil (ISAG 2020) an.

Probenentnahme:

Der folgende unabhängige Probennehmer (Tierarzt, Zuchtwart, o.ä.) hat durch seine Unterschrift die Probenentnahme und Überprüfung der Identität des Tieres bestätigt:

Dr. Jasmin Schrötter

Genetische Variabilität (Heterozygotie)



In dieser Grafik können Sie die genetische Variabilität (Heterozygotie) Ihres Tieres ablesen. Die Heterozygotie (% Het) beschreibt den Prozentsatz an genetischen Merkmalen (SNPs), bei denen Ihr Hund unterschiedliche Varianten von Mutter und Vater vererbt bekommen hat. Im Rassevergleich sind Tiere mit hoher Heterozygotie nach aktuellem wissenschaftlichem Stand weniger von Inzucht betroffen als Tiere niedriger Heterozygotie. Für die Berechnung der Heterozygotie verwenden wir den genetischen Fingerabdruck (das Premium SNP DNA-Profil) sowie hunderte weiterer genetischer Merkmale in der DNA Ihres Hundes. Ihr Hund ist in der Grafik mit einem Kreuz und einer schwarzen durchgezogenen Linie markiert.

Sobald eine genügend große Referenzpopulation Ihrer Rasse bei LABOKLIN untersucht wurde, sehen Sie die genetische Variabilität der gesamten Rassepopulation als orange schraffierten Bereich. Der Mittelwert der Rasse ist als graue gestrichelte Linie gekennzeichnet.

Kleine Populationsgrößen und Inzucht können die Heterozygotie einer Rasse verringern. Tiere mit hoher Heterozygotie im Rassevergleich können daher in der Zucht zum Erhalt der genetischen Vielfalt einer Rasse beitragen. Bitte beachten Sie jedoch, dass durch die Heterozygotie keine Rückschlüsse auf einzelne Faktoren wie Erbkrankheiten oder äußerliche Merkmale wie der Fellfarbe gezogen werden können. Der Erhalt von genetischer Variabilität kann ein Baustein in der verantwortungsvollen Hundezucht sein, darf aber nicht für sich allein betrachtet werden. Mehr Informationen finden Sie auf unserer Homepage:

<https://shop.labogen.com/hund-premium-snp-dna-profil-isag-2020>

Zuchtverbandsrabatte wurden für rabattfähige Leistungen berücksichtigt!



Bei genetischen Tests untersuchen wir die Varianten, die mit Erbkrankheiten oder genetischen Merkmalen assoziiert sind. Die Ergebnisse der genetischen Untersuchungen zeigen für die untersuchten Varianten immer beide Allele des Tieres. Dabei ist "N" die Angabe für das Wildtyp-Allel, die auffälligen Allele tragen die Bezeichnung der damit assoziierten Erkrankung (hier exemplarisch "mut").

Mögliche Ergebnisse:

- N/N: Die für die Krankheit untersuchte Variante liegt nicht vor.
- N/mut: Das untersuchte Tier trägt eine Kopie der untersuchten Variante.
- mut/mut: Das untersuchte Tier trägt zwei Kopien der untersuchten Variante.

Mit diesen genetischen Informationen allein, kann jedoch noch keine Aussage getroffen werden, ob, wann oder in welchem Ausmaß eine Krankheit auftritt. Bei manchen Krankheiten hängt die Schwere der Erkrankung noch von weiteren, teils nicht genetisch bestimmaren Faktoren ab. Auch variable Penetranzen - unterschiedlich schwere Ausprägungen, spielen häufig eine Rolle. In der Regel tritt die Krankheit bei rezessiven Erbkrankheiten erst bei zwei Kopien der untersuchten Variante auf. Bei dominanten Erbkrankheiten wirkt sich bereits eine Kopie der Variante auf das Auftreten der Krankheit aus. Die Anmerkungszeichen **r** (autosomal rezessiv), **d** (autosomal dominant) und **Xr** (X-chromosomal rezessiv) kennzeichnen den jeweiligen Erbgang.

Nicht jedes auffällige Ergebnis ist zwingend mit gesundheitlichen Konsequenzen für das Tier oder seine Nachkommen verbunden. Gerade bei heterozygotem (mischerbigen) Vorliegen monogen-autosomal-rezessiver Erkrankungen haben die aufgezeigten Ergebnisse keine gesundheitliche Bedeutung für das Tier und bei Verpaarung mit einem freien Tier auch nicht für die Nachkommen.

Für rasseunspezifische Ergebnisse gilt:

Bislang wurde wissenschaftlich keine Korrelation zwischen der getesteten Variante und der zugehörigen klinischen Symptomatik in der Rasse dieses Tieres nachgewiesen.

Genauere Informationen zu den einzelnen Erbkrankheiten finden Sie auf unserer Website.

RASSESPZIFISCHE VARIANTEN

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Chondrodysplasie (CDPA) ^d	N/N	FGF4/ CFA18	COMPLEX
Chondrodystrophie (CDDY) und IVDD-Risiko ^d	N/N	FGF4/ CFA12	COMPLEX
Degenerative Myelopathie ^{r,2,4}	N/N (Exon 2)	SOD1	G-A
Hyperurikosurie ^r	N/N	SLC2A9	G-T
Maligne Hyperthermie (MH) ^d	N/N	RYS1	A-G
Progressive Retinaatrophie (prcd-PRA) ^r	N/N (A)	PRCD	C-T
Von-Willebrand Erkrankung Typ I (vWD1) ^{d,3}	N/N	VWF	G-A

RASSEUNSPECIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)

Auffällige Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Degenerative Myelopathie Risikomodifikator (DMRM) d,4	DMWM/DMWM	SP110	C-T
Dilatative Kardiomyopathie (DCM3) - Dobermann ⁴	N/DCM3	---	G-A
Progressive Retinaatrophie (crd3-PRA) assoziierter SNP - Glen of Imaal Terrier ^{r,5}	crd3/crd3	assoziierter C-T SNP	
Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Achromatopsie - Deutscher Schäferhund ^r	N/N	CNGA3	G-A
Achromatopsie - Labrador Retriever ^r	N/N	CNGA3	DEL
Adipositas	N/N	POMC	DEL
Afibrinogenämie (AFG)	N/N	FGA	DEL
Akatalasämie ^r	N/N	CAT	C-T
Akrales Mutilationssyndrom (AMS) ^r	N/N	GDNF	C-T
Akutes Lungenversagen (ARDS) ^r	N/N	ANLN	C-T
Alaskan Husky Enzephalopathie (AHE) ^r	N/N	SLC19A3	COMPLEX
Alaskan Malamute Polyneuropathie (AMPN) ^r	N/N	NDRG1	C-A
Alexander Krankheit ^d	N/N	GFAP	G-A
Amelogenesis imperfecta (AI) - Akita ^r	N/N	ACP4	INS
Amelogenesis imperfecta (AI) - Italienisches Windspiel ^r	N/N	ENAM	DEL
Amelogenesis imperfecta (AI) - Parson Russell Terrier ^r	N/N	ENAM	C-T
Amelogenesis imperfecta (AI) - Samojede ^r	N/N	SLC24A4	INS
Anhidrotic ectodermal dysplasia (EDA) - Deutscher Schäferhund ^{Xr}	N/N	EDA	G-A
Brachyurie (Stummelrute) ^d	N/N	TBXT	G-C
Bunny Hopping Syndrom (BHS1) ^r	N/N	EFNB3	INS
C3-Defizienz ^r	N/N	C3	DEL
Canine Leukozyten-Adhäsionsdefizienz (CLAD) ^r	N/N	ITGB2	C-G
Canine multifokale Retinopathie CMR1 ^r	N/N	BEST1	G-A
Canine multifokale Retinopathie CMR2 ^r	N/N	BEST1	C-T
Canine multifokale Retinopathie CMR3 ^r	N/N	BEST1	DEL
Canine multiple Systemdegeneration (CMSD) - Chinese Crested ^r	N/N	SERAC1	DEL
Canine multiple Systemdegeneration (CMSD) - Kerry Blue Terrier ^r	N/N	SERAC1	C-T
Centronukleäre Myopathie (CNM) - Deutsche Dogge ^r	N/N	BIN1	A-G
Centronukleäre Myopathie (CNM) - Deutscher Jagdterrier ^r	N/N	ACADVL	C-A
Cerebelläre Ataxie (CA1) - Belgischer Schäferhund ^r	N/N	RALGAPA1	COMPLEX
Cerebelläre Ataxie - Pyrenäen-Berghund ^r	N/N	SACS	DEL
Cerebelläre Degeneration mit Myositis (CDMC) ^r	N/N	SLC25A12	G-A
Cerebelläre Hypoplasie (CH) ^r	N/N	RELN	DEL
Cerebrale Dysfunktion ^r	N/N	SLC6A3	G-A
Charcot-Marie-Tooth Neuropathie (CMT) ^r	N/N	SBF2	C-A
Chondrodysplasie - Chinook, Karelischer Bärenhund, Norwegischer Elchhund ^r	N/N	ITGA10	G-A
Collie Eye Anomalie (CEA) ^{r,1}	N/N	NHEJ1	COMPLEX
Comma Defect (Spondylocostal Dysostosis) ^r	N/N	HES7	DEL
Cone Degeneration (CD) ^r	N/N	CNGB3	C-T
Congenitale Hypothyreose (CHG) - Fox, Rat Terrier ^r	N/N	TPO	C-T
Congenitale Hypothyreose (CHG) - Frz. Bulldogge ^r	N/N	TPO	T-C
Congenitale Hypothyreose (CHG) - Tenterfield Terrier ^r	N/N	TPO	C-T

RASSEUNSPECIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Congenitale stationäre Nachtblindheit (CSNB) ^r	N/N	RPE65	DEL
Congenitales myasthenes Syndrom (CMS) - Altdänischer Vorstehhund ^r	N/N	CHAT	G-A
Congenitales myasthenes Syndrom (CMS) - Golden Retriever ^r	N/N	LOC608697	G-A
Congenitales myasthenes Syndrom (CMS) - Russell Terrier ^r	N/N	CHRNE	INS
Congenitales myasthenes Syndrom - Labrador Retriever ^r	N/N	LOC608697	T-C
Craniomandibuläre Osteopathie (CMO) ^{d,3}	N/N (CMO-0)	SLC37A2	G-A
Cystinurie Typ IA - Labrador Retriever ^r	N/N	SLC3A1	DEL
Cystinurie Typ IA - Neufundländer ^r	N/N	SLC3A1	C-T
Cystinurie Typ IB ^d	N/N	SLC7A9	G-A
Cystinurie Typ IIA ^d	N/N	SLC3A1	DEL
Cystinurie Typ III ^{r,5}	N/N	SLC3A1	A-G
Dental-skeletal-retinal anomaly (DSRA) ^r	N/N	MIA3	DEL
Digitale Hyperkeratose (DH) - Bordeauxdogge ^r	N/N	KRT16	COMPLEX
Digitale Hyperkeratose (DH) - Irish Terrier, Kromfohlrländer ^r	N/N	FAM83G	G-C
Dilatative Kardiomyopathie (DCM) - (Riesen)Schnauzer ^r	N/N	RBM20	DEL
Dilatative Kardiomyopathie (DCM) - Manchester Terrier ^{r,4}	N/N	ABCC9	G-A
Dilatative Kardiomyopathie (DCM) - Nova Scotia Duck Tolling Retriever ^{r,4}	N/N	LMNA	DEL
Dilatative Kardiomyopathie (DCM) - Welsh Springer Spaniel ^{3,4}	N/N	PLN	G-A
Dilatative Kardiomyopathie (DCM1) - Dobermann ⁴	N/N	PDK4	DEL
Dilatative Kardiomyopathie (DCM2) - Dobermann ⁴	N/N	TTN	C-T
Dilatative Kardiomyopathie (DCM4) - Dobermann ⁴	N/N	---	G-A
Disproportionierter Zwergenwuchs - Dogo Argentino ^r	N/N	PRKG2	C-A
Disproportionierter Zwergenwuchs - Magyar Vizsla ^r	N/N	PCYT1A	A-G
Dyserythropoetische Anämie und Myopathie (DAMS) - Labrador Retriever ^r	N/N	EHBP1L1	G-A
Dystrophic Epidermolysis bullosa (DEB) - Golden Retriever ^r	N/N	COL7A1	G-A
Dystrophic Epidermolysis bullosa (DEB) - Mittelasiatischer Schäferhund ^r	N/N	COL7A1	C-T
Ehlers-Danlos-Syndrom - Catahoula Leopard Dog ^r	N/N	ADAMTS2	G-A
Ehlers-Danlos-Syndrom - Dobermann ^r	N/N	ADAMTS2	C-T
Entzündliche Lungenerkrankung (IPD) ^r	N/N	AKNA	DEL
Entzündliche Myopathie (IM) - Holländischer Schäferhund ^r	N/N	SLC25A12	A-G
Epidermolytische Hyperkeratose ^r	N/N	KRT10	G-T
Episodic Falling ^{r,2}	N/N	BCAN	COMPLEX
Erbliche Taubheit (DINGS2) - Dobermann ^r	N/N	MYO7A	C-T
Erbliche Taubheit (EOAD) - Beauceron ^r	N/N	CDH23	C-T
Erbliche Taubheit (EOAD) - Rhodesian Ridgeback ^r	N/N	EPS8L2	DEL
Erbliche Taubheit (EOAD) - Rottweiler ^r	N/N	LOXHD1	G-C
Erbliche Vitamin-D-abhängige Rachitis (HVDDR) ^r	N/N	VDR	DEL
Exercise Induced Collapse (EIC) ^{r,2}	N/N	DNM1	C-A
Exfoliativer kutaner Lupus erythematodes (ECLE) ^r	N/N	UNC93B1	C-A

RASSEUNSPECIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Faktor VII-Mangel ^r	N/N	F7	G-A
Familiäre Nephropathie (FN) - English Cocker Spaniel, Welsh Springer Spaniel ^r	N/N	COL4A4	T-A
Familiäre Nephropathie (FN) - English Springer Spaniel ^r	N/N	COL4A4	G-A
Familiäre Nephropathie (FN) - Samojede ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	COL4A5	G-T
Familiäres Schilddrüsenkarzinom Risikofaktor 1 - Deutsch Langhaar ⁴	N/N	TPO	G-A
Familiäres Schilddrüsenkarzinom Risikofaktor 2 - Deutsch Langhaar ⁴	N/N	TPO	C-T
Fanconi-Syndrom	N/N	FAN1	COMPLEX
Farbverdünnung und neurologische Defekte (CDN) ^r	N/N	MYO5A	INS
Finnish Hound Ataxie ^r	N/N	SEL1L	A-G
Gallenblasenmukozelen (GBM) ^{d,3}	N/N	ABCB4	INS
Glanzmann-Thrombasthenie (GT) ^r	N/N	ITGA2B	DEL
Glasknochenkrankheit - Beagle ^d	N/N	COL1A2	COMPLEX
Glasknochenkrankheit - Dackel ^r	N/N	SERPINH1	A-G
Glasknochenkrankheit - Golden Retriever ^d	N/N	COL1A1	C-G
Glaukom und Goniodysgenesie (GG) ^r	N/N	OLFML3	G-A
Gliedergürteldystrophie (LGMD) ^r	N/N	SGCA	G-A
Globoidzelleleukodystrophie - Terrier ^r	N/N	GALC	T-G
Glycogenspeicherkrankheit GSDIa - Malteser ^r	N/N	G6PC	C-G
Glycogenspeicherkrankheit GSDII (Morbus Pompe) ^r	N/N	GAA	C-T
Glycogenspeicherkrankheit IIIa (GSDIIIa) ^r	N/N	AGL	DEL
GM1-Gangliosidose - Husky ^r	N/N	GLB1	INS
GM1-Gangliosidose - Portugiesischer Wasserhund ^r	N/N	GLB1	G-A
GM1-Gangliosidose - Shiba Inu ^r	N/N	GLB1	DEL
GM2-Gangliosidose - Japan Chin ^r	N/N	HEXA	C-T
GM2-Gangliosidose - Shiba Inu ^r	N/N	HEXB	DEL
GM2-Gangliosidose - Zwergpudel ^r	N/N	HEXB	G-T
Hämophilie A - Bobtail ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	F8	G-A
Hämophilie A - Boxer ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	F8	G-C
Hämophilie A - Deutscher Schäferhund ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	F8	C-T
Hämophilie A - Labrador Retriever ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	F8	DEL
Hämophilie B - Amerikanischer Akita ^{Xr,2}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	F9	T-C
Hämophilie B - Hovawart ^{Xr,2}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	F9	DEL
Hämophilie B - Lhasa Apso ^{Xr,2}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	F9	COMPLEX
Hämophilie B - Rhodesian Ridgeback ^{Xr,2}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	F9	G-A
Hämorrhagische Diathese (Scott Syndrom) ^r	N/N	ANO6	C-T
Hereditäre Ataxie (HA) - Australian Shepherd ^r	N/N	PNPLA8	INS
Hereditäre Ataxie (HA) - Bobtail, Gordon Setter ^r	N/N	RAB24	A-C
Hereditäre Ataxie (HA) - Malinois ^r	N/N	SLC12A6	COMPLEX
Hereditäre Ataxie (HA) - Norwegischer Buhund ^r	N/N	KCNIP4	T-C
Hereditäre Ataxie (HA) - Norwegischer Elchhund ^r	N/N	HACE1	DEL
Hereditäre Katarakt - Frz. Rauhaariger Vorstehhund ^r	N/N	FYCO1	DEL
Hereditäre Nasale Parakaratose (HNPK) - Greyhound ^r	N/N	SUV39H2	DEL
Hereditäre Nasale Parakaratose (HNPK) - Labrador Retriever ^{r,2}	N/N	SUV39H2	A-C
Hereditäre Neuropathie ^r	N/N	NDRG1	DEL
Hypomyelinisierung - English Springer Spaniel ^r	N/N	PLP1	A-C
Hypomyelinisierung - Weimaraner ^r	N/N	FNIP2	DEL

RASSEUNSPECIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Hypophosphatasie (HPP) ^r	N/N	ALPL	A-C
Ichthyose - American Bulldog ^r	N/N	NIPAL4	DEL
Ichthyose - Chihuahua ^r	N/N	SDR9C7	G-A
Ichthyose - Deutscher Schäferhund ^d	N/N	ASPRV1	A-G
Ichthyose - Golden Retriever ^r	N/N	PNPLA1	INS
Ichthyose Typ 2 - Golden Retriever	N/N	ABHD5	DEL
Imerslund-Gräsbeck Syndrom (IGS) - Beagle ^r	N/N	CUBN	DEL
Imerslund-Gräsbeck Syndrom (IGS) - Border Collie ^r	N/N	CUBN	DEL
Imerslund-Gräsbeck Syndrom (IGS) - Komondor ^r	N/N	CUBN	G-A
Junctional Epidermolysis bullosa (JEB) ^r	N/N	LAMA3	G-A
Juvenile Enzephalopathie (JBD) ^r	N/N	PITRM1	DEL
Juvenile Epilepsie (JE) - Lagotto Romagnolo ^r	N/N	LGI2	A-T
Juvenile Laryngeal Paralysis & Polyneuropathy (JLPP) ^r	N/N	RAB3GAP1	DEL
Juvenile Myoklonische Epilepsie (JME) ^r	N/N	DIRAS1	DEL
Kardiomyopathie mit Welpensterblichkeit (CJM) ^r	N/N	YARS2	G-A
Kupferspeichererkrankung (CT) - Risikofaktor ^{d,2,3,4}	N/N	ATP7B	G-A
Kupferspeichererkrankung (CT) - schützender Faktor ^{2,3}	w X(N)/X(N) bzw. m X(N)/Y	ATP7A	C-T
L-2-Hydroxyglutaracidurie (L2HGA) - Staffordshire Bull Terrier ^r	N/N	L2HGDH	COMPLEX
L-2-Hydroxyglutaracidurie (L2HGA) - Yorkshire Terrier ^r	N/N	L2HGDH	T-C
Lagotto Speicherkrankheit (LSD) ^r	N/N	ATG4D	C-T
Larynxparalyse mit Polyneuropathie Typ 3 (LPPN3) ^r	N/N	CNTNAP1	C-T
Late onset Ataxie (LOA) ^r	N/N	CAPN1	C-T
Leonberger Polyneuropathie (LPN1) ^r	N/N	ARHGEF10	DEL
Leonberger Polyneuropathie (LPN2) ^{d,3}	N/N	GJA9	DEL
Letale Akrodermatitis ^r	N/N	MKLN1	T-G
Letale Lungenerkrankung (LAMP3) ^r	N/N	LAMP3	C-T
Leukoenzephalomyelopathie (LEMP) - Dogge, Rottweiler ^{r,3}	N/N	NAPEPLD	INS
Leukoenzephalomyelopathie (LEMP) - Leonberger ^r	N/N	NAPEPLD	G-C
Leukoenzephalopathie (LEP) ^r	N/N	TSEN54	C-T
Leukozyten-Adhäsionsdefizienz (LAD-III) ^r	N/N	FERMT3	INS
Lundehund-Syndrom ^r	N/N	P3H2	C-G
Lysosomale Speicherkrankheit (LSD) ^r	N/N	MAN2B1	A-G
Makrothrombozytopenie Typ A ^d	N/N	TUBB1	G-A
Makrothrombozytopenie Typ B ^r	N/N	TUBB1	G-A
Makuläre Hornhautdystrophie (MCD)	N/N	LOC489707	C-A
Maxillary canine tooth mesioversion (MCM) ^{d,4}	N/N	FTSJ3	T-C
May-Hegglin Anomalie (MHA) ^d	N/N	MYH9	G-A
MCAD-Defizienz ^r	N/N	ACADM	COMPLEX
MDR1-Genvariante ^r	N/N (+/+)	ABCB1	DEL
Methämoglobinämie (MethHg) ^r	N/N	CYB5R3	A-C
Mikrophthalmie (RBP4) ^r	N/N	RBP4	DEL
Mitochondriale Enzephalopathie (MFE) ^r	N/N	MFF	COMPLEX
Mitralklappenendokardiose (MMVD) ^{r,4}	N/N	NEBL	G-A
Mukopolysaccharidose (MPS) Typ IIIa - Neuseeländischer Huntaway ^r	N/N	SGSH	INS
Mukopolysaccharidose (MPS) Typ IIIa - Dackel ^r	N/N	SGSH	DEL
Mukopolysaccharidose (MPS) Typ VI - Zwergpinscher	N/N	ARSB	G-A

RASSEUNSPECIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Mukopolysaccharidose (MPS) Typ VII - Brasilianischer Terrier ^r	N/N	GUSB	G-A
Mukopolysaccharidose (MPS) Typ VII - Deutscher Schäferhund ^r	N/N	GUSB	C-T
Mukopolysaccharidose Typ VI ^r	N/N	ARSB	C-T
Müller-Gang Persistenz Syndrom (PMDS) ^r	N/N	AMHR2	G-A
Muskeldystrophie - American Staffordshire Terrier ^r	N/N	COL6A3	DEL
Muskeldystrophie - Cavalier King Charles Spaniel ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	DMD	C-A
Muskeldystrophie - Golden Retriever ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	DMD	T-C
Muskeldystrophie - Landseer ^r	N/N	COL6A1	G-T
Muskeldystrophie - Norfolk Terrier ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	DMD	DEL
Muskeldystrophie 2 - Cavalier King Charles Spaniel ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	DMD	DEL
Musladin-Lueke Syndrom ^r	N/N	ADAMTSL2	C-T
Mykobakterium avium Komplex Sensitivität (MAC) ^r	N/N	CARD9	DEL
Myostatin-Variante ("Bully") - Whippet ^r	N/N	MSTN	DEL
Myotonia congenita - Labrador Retriever ^r	N/N	CLCN1	T-A
Myotonia congenita - Zwergschnauzer ^r	N/N	CLCN1	G-A
Narkolepsie - Dackel ^r	N/N	HCRTR2	G-A
Narkolepsie - Labrador Retriever ^r	N/N	HCRTR2	G-A
Nekrotisierende Meningoenzephalitis (NME) ^{r,4}	N/N	DLA-DPB1	DEL
Nekrotisierende Myelopathie (ENM) ^r	N/N	IBA57	G-A
Nemalin Myopathie ^r	N/N	NEB	G-T
Neonatale cerebelläre Abiotrophie (NCCD) - Beagle ^r	N/N	SPTBN2	DEL
Neonatale cerebelläre Abiotrophie (NCCD) - Magyar Vizsla ^r	N/N	SNX14	C-T
Neonatale Enzephalopathie ^r	N/N	ATF2	A-C
Neuralrohrdefekt ^r	N/N	NKX2-8	COMPLEX
Neuroaxonale Dystrophie (NAD) - Lagotto Romagnolo, Sp. Wasserhund ^r	N/N	TECPR2	C-T
Neuroaxonale Dystrophie (NAD) - Miniature American Shepherd ^r	N/N	RNF170	DEL
Neuroaxonale Dystrophie (NAD) - Papillon ^r	N/N	PLA2G6	G-A
Neuroaxonale Dystrophie (NAD) - Rottweiler ^r	N/N	VPS11	T-C
Neuronale Ceroidlipofuszinose - American Staffordshire Terrier ^r	N/N	ARSG	G-A
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN1 - Cane Corso Italiano ^r	N/N	PPT1	G-A
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN1 - Dackel	N/N	PPT1	INS
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN10 - American Bulldog ^r	N/N	CTSD	C-T
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN12 - Tibet Terrier ^r	N/N	ATP13A2	DEL
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN12 Adult Onset - Australian Cattle Dog	N/N	ATP13A2	C-T
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN2 - Dackel ^r	N/N	TPP1	DEL
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN5 - Border Collie, Australian Cattle Dog ^r	N/N	CLN5	C-T
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN6 ^r	N/N	CLN6	A-G
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN7 - Chihuahua, Chinese Crested Dog ^r	N/N	MFSD8	DEL
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN8 - Australian Shepherd ^r	N/N	CLN8	G-A

RASSEUNSPECIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN8 - Setter ^r	N/N	CLN8	T-C
Nierendysplasie und Leberfibrose (RDHN) ^r	N/N	INPP5E	G-A
Nierenzellkarzinom und Noduläre Dermatofibrose (RCND) ^d	N/N	FLCN	A-G
Oberes Luftweg-Syndrom (UAS) ^r	N/N	ADAMTS3	C-T
Osteochondrodysplasie (OCD) ^r	N/N	SLC13A1	COMPLEX
Paradoxe Pseudomyotonie (PP) ^r	N/N	SLC7A10	C-A
Paroxysmale Dyskinesie (PxD) ^r	N/N	PIGN	C-T
Paroxysmale exercise-induced Dyskinesie (PED) - Shetland Sheepdog ^r	N/N	PCK2	G-A
Paroxysmale exercise-induced Dyskinesie (PED) - Weimaraner ^r	N/N	TNR	INS
Phosphofruktokinase-Defizienz (PFKD) - American Cocker Spaniel, English Springer Spaniel, Whippet ^r	N/N	PFKM	C-T
Phosphofruktokinase-Defizienz (PFKD) - Dt. Wachtelhund ^r	N/N	PFKM	G-A
Polydaktylie ^d	N/N	SHH	C-T
Polyzystische Nierenerkrankung (PKD) ^d	N/N	PKD1	G-A
Postoperative Blutungsneigung (DEPOH)- Deerhound, Greyhound, Magyar Agar ^{d,3,4}	N/N	SERPINF2	C-T
Postoperative Blutungsneigung (P2Y12) - Großer Schweizer Sennenhund ^d	N/N	P2RY12	DEL
Präkallikrein-Defizienz ^r	N/N	KLKB1	A-T
Primäre ciliäre Dyskinesie - Alaskan Malamute ^r	N/N	NME5	DEL
Primäre ciliäre Dyskinesie - Bobtail ^r	N/N	CCDC39	G-A
Primäre Linsen-Luxation (PLL) ^r	N/N	ADAMTS17	G-A
Primäres Weitwinkel-Glaukom (POAG) - Basset Fauve de Bretagne ^r	N/N	ADAMTS17	G-A
Primäres Weitwinkel-Glaukom (POAG) - Basset Hound ^r	N/N	ADAMTS17	DEL
Primäres Weitwinkel-Glaukom (POAG) - Beagle, Ostsibirischer Laika ^r	N/N	ADAMTS10	C-T
Primäres Weitwinkel-Glaukom (POAG) - Norwegischer Elchhund ^r	N/N	ADAMTS10	C-T
Primäres Weitwinkelglaukom und Linsenluxation (POAG/PLL) ^r	N/N	ADAMTS17	DEL
Progressive Retinaatrophie (Bas-PRA1) - Basenji ^r	N/N	SAG	T-C
Progressive Retinaatrophie (BBS2-PRA) - Shetland Sheepdog ^r	N/N	BBS2	G-C
Progressive Retinaatrophie (BBS4-PRA) - Puli ^r	N/N	BBS4	A-T
Progressive Retinaatrophie (CNGA1-PRA) - Shetland Sheepdog ^r	N/N	CNGA1	DEL
Progressive Retinaatrophie (crd-PRA) - Dackel ^r	N/N	NPHP4	COMPLEX
Progressive Retinaatrophie (crd1-PRA) - American Staffordshire Terrier ^r	N/N	PDE6B	DEL
Progressive Retinaatrophie (crd2-PRA) - American Pitbull Terrier ^r	N/N	IQCB1	INS
Progressive Retinaatrophie (dominante Form PRA) ^d	N/N	RHO	G-C
Progressive Retinaatrophie (eo-PRA) - Spanischer Wasserhund ^r	N/N	PDE6B	DEL
Progressive Retinaatrophie (generalisierte PRA) - Schapendoes ^r	N/N	CCDC66	INS

RASSEUNSPECIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
Progressive Retinaatrophie (GR-PRA1) - Golden Retriever ^r	N/N	SLC4A3	DEL
Progressive Retinaatrophie (GR-PRA2) - Golden Retriever ^r	N/N	TTC8	DEL
Progressive Retinaatrophie (GUCY2D-PRA) - Deutscher Spitz ^r	N/N	GUCY2D	INS
Progressive Retinaatrophie (IFT122-PRA) - Lappländischer Rentierhund ^r	N/N	IFT122	C-T
Progressive Retinaatrophie (JPH2-PRA) - Shih Tzu	N/N	JPH2	A-C
Progressive Retinaatrophie (MERTK-PRA) - Schwedischer Vallhund ^r	N/N	MERTK	COMPLEX
Progressive Retinaatrophie (NECAP1-PRA) - Riesenschnauzer ^r	N/N	NECAP1	G-A
Progressive Retinaatrophie (Pap-PRA1) - Papillon ^r	N/N	CNGB1	INS
Progressive Retinaatrophie (rcd1-PRA) - Irish Red Setter, Irish Red and White Setter ^r	N/N	PDE6B	C-T
Progressive Retinaatrophie (rcd1a) - Sloughi ^r	N/N	PDE6B	INS
Progressive Retinaatrophie (rcd3-PRA) ^r	N/N	PDE6A	DEL
Progressive Retinaatrophie (Typ B1-PRA, HIVEP3) - Zwergschnauzer ^r	N/N	HIVEP3	G-A
Protein Losing Nephropathie (PLN) ^r	N/N	KIRREL2, NPHS1	G-C, G-A
Pyruvatdehydrogenase-Phosphatase 1-Defizienz ^r	N/N	PDP1	C-T
Pyruvatkinase-Defizienz (PK) - Basenji ^r	N/N	PKLR	DEL
Pyruvatkinase-Defizienz (PK) - Beagle ^r	N/N	PKLR	G-A
Pyruvatkinase-Defizienz (PK) - Labrador Retriever ^r	N/N	PKLR	C-T
Pyruvatkinase-Defizienz (PK) - Mops ^r	N/N	PKLR	T-C
Raine Syndrom ^r	N/N	FAM20C	G-A
Retinale Dysplasie (OSD) - Northern Inuit, Tamaskan ^r	N/N	COL9A3	C-T
Robinow-like-Syndrom (DVL2) ^{r,3,4}	N/N	DVL2	DEL
Schwere kombinierte Immundefizienz (SCID) - Friesischer Wasserhund ^r	N/N	RAG1	C-A
Schwere kombinierte Immundefizienz (SCID) - Russell Terrier ^r	N/N	PRKDC	C-A
Sensorische Neuropathie (SN) ^r	N/N	FAM134B	COMPLEX
Shar Pei Autoinflammatory Disease (SPAID) ^{d,3}	N/N	MTBP	G-A
Spinocerebelläre Ataxie (SCA) - Alpenländische Dachsbracke ^r	N/N	SCN8A	C-A
Spinocerebelläre Ataxie (SCA) - Terrier ^r	N/N	KCNJ10	C-G
Spongiose Degeneration mit cerebellärer Ataxie (SDCA1) ^r	N/N	KCNJ10	T-C
Stargardt-Syndrom (STGD, Retinale Degeneration) ^r	N/N	ABCA4	INS
Startle Disease - Australian Shepherd ^r	N/N	GLRA1	DEL
Startle Disease - Galgo Español ^{r,2}	N/N	SLC6A5	DEL
Succinat-Semi-Aldehyd-Dehydrogenase-Mangel (SSADHD) ^r	N/N	ALDH5A1	G-A
Thrombozytopathie - Basset Hound ^r	N/N	RASGRP2	DEL
Trapped Neutrophil Syndrome (TNS) ^r	N/N	VPS13B	DEL
van den Ende-Gupta Syndrom (VDEGS) ^r	N/N	SCARF2	DEL
Ventrikuläre Arrhythmie (IVA) ^{3,4}	N/N	MICOS13	G-A
von-Willebrand Erkrankung Typ 3 (vWD 3) - Kooikerhondje ^r	N/N	VWF	G-A

RASSEUNSPECIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)

Unbedenkliche Ergebnisse	Genotyp	Gen	Variante
von-Willebrand Erkrankung Typ 3 (vWD 3) - Schottischer Terrier ^r	N/N	VWF	DEL
von-Willebrand Erkrankung Typ 3 (vWD 3) - Shetland Sheepdog ^r	N/N	VWF	DEL
Von-Willebrand Erkrankung Typ II (vWD2) - Deutsch Drahthaar ^r	N/N	VWF	T-G
X-chromosomale schwere Immundefizienz - Basset Hound ^{Xr}	w X(N)/X(N), m X(N)/Y	IL2RG	DEL
X-chromosomale schwere Immundefizienz - Welsh Corgi ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	IL2RG	DEL
X-linked Myopathie (XL-MTM) - Labrador Retriever ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	MTM1	C-A
X-linked Myopathie (XL-MTM) - Rottweiler ^{Xr}	w X(N)/X(N) m X(N)/Y	MTM1	A-C
Xanthinurie Typ II - Cavalier King Charles Spaniel, English Cocker Spaniel ^r	N/N	MOCOS	DEL
Xanthinurie Typ II - Dackel ^r	N/N	MOCOS	A-G
Xanthinurie Typ II - Englischer Toy Terrier, Manchester Terrier ^r	N/N	MOCOS	C-A
ZNS-Atrophie mit zerebellärer Ataxie (CACA) ^r	N/N	SELENOP	COMPLEX
Zwergenwuchs (Skeletal Dysplasia 2) ^r	N/N	COL11A2	C-G
Zwergenwuchs (Wachstumshormonmangel) - Chihuahua ^r	N/N	GH1	DEL
Zwergenwuchs - Karelischer Bärenhund, Lappländischer Rentierhund ^r	N/N	POU1F1	C-A

Nicht auswertbar

Erbliche Taubheit (DINGS1) ^r
Neuronale Ceroidlipofuszinose CLN5 - Golden Retriever ^r
Progressive Retinaatrophie (eo-PRA) - Portugiesischer Wasserhund ^r

FELLFARBEN & FELLMERKMALE

Genetischer Test	Genotyp	Allelische Reihe
A-Lokus (ASIP-Haplotyp)	BB1/BB1	DY>SY>AG>BS/ BB>a
B-Lokus Variante b4 ^r	N/N (B/B)	N(B)>b4
B-Lokus Variante bc ^r	N/N (B/B)	N(B)>bc
B-Lokus Variante bd ^r	N/N (B/B)	N(B)>bd
B-Lokus Variante be ^r	N/N (B/B)	N(B)>be
B-Lokus Variante bh ^r	N/N (B/B)	N(B)>bh
B-Lokus Variante bs ^r	N/N (B/B)	N(B)>bs
C-Lokus Variante caL ^r	N/N (C/C)	N(C)>caL
C-Lokus Variante OCA2 ^r	N/N (C/C)	N(C)>oCa2
C-Lokus Variante OCA4 (Bullmastif) ^r	N/N (C/C)	N(C)>oCa4
C-Lokus Variante OCA4 (Dobermann) ^r	N/N (C/C)	N(C)>oCa4
Cocoa ^r	N/N	N>cocoa
Curly Coat Variante C1 ^d	NC/C1	C1>NC
Curly Coat Variante C2 ^d	NC/NC	C2>NC
D-Lokus Variante d1 ^r	N/d1 (D/d1)	N(D)>d1
D-Lokus Variante d2 ^r	N/N (D/D)	N(D)>d2
Double Coat Variante 1 ^d	DC1 D/D	A>D
Double Coat Variante 2 ^d	D/D	A>D

FELLFARBEN & FELLMERKMALE

Genetischer Test	Genotyp	Allelische Reihe
E-Lokus Variante e1 ^r	N/N (E/E)	N(E)>e1
E-Lokus Variante e3 ^r	N/N (E/E)	N(E)>e3
E-Lokus Variante eA ^r	N/N (E/E)	N(E)>eA
E-Lokus Variante eG ^r	N/N (E/E)	N(E)>eg
E-Lokus Variante eH ^r	N/N (E/E)	N(E)>eh
E-Lokus Variante EM ^d	N/N (E/E)	EM>N(E)
H-Lokus (Harlequin) ^d	h/h	H>h
Haarlänge Variante C587T ^r	L/L	L>l
Haarlänge Variante del16 ^r	L/L	L>l
Haarlänge Variante dupGG ^r	L/L	L>l
Haarlänge Variante G284T ^r	L/L	L>l
Haarlänge Variante T8193A ^r	L/L	L>l
Haarlosigkeit - Deerhound ^r	N/N	N>H
I-Lokus (Phäomelanin-Intensität) ^r	N/I (I/i)	N(I)>i
K-Lokus	ky/ky	Kb>ky
Pandascheckung (Deutscher Schäferhund) ^d	N/N	P>N
S-Lokus (Weißscheckung, Piebald)	N/N	
Saddle Tan - Basset Hound, Welsh Corgi ^d	St/bt	St>bt
T-Lokus (Ticking, Tüpfelung, Stichelung, Schimmelung) ^d	N/N	TR>N

Nicht auswertbarFurnishing^dImproper Coat^r

Die Ergebnisse gelten nur für das im Labor eingegangene Probenmaterial. Die Verantwortung für die Richtigkeit der Angaben zu den eingesandten Proben liegt beim Einsender. Gewährleistungsverpflichtungen dafür können nicht übernommen werden. Schadensersatzverpflichtungen sind, soweit gesetzlich zulässig, auf den Rechnungswert der durchgeführten Untersuchung/en beschränkt, im Übrigen haften wir nur für Vorsatz und grobe Fahrlässigkeit, soweit gesetzlich möglich.

Weitere Genveränderungen, die ebenfalls die Ausprägung der Erkrankung/Merkmale beeinflussen können, können nicht ausgeschlossen werden. Die Untersuchung/en erfolgte/n nach dem derzeitigen allgemeinen wissenschaftlichen Kenntnisstand.

Das Labor ist für die auf diesem Befund aufgeführten Untersuchungen akkreditiert nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (ausgenommen Partnerlabor-Leistungen).

In seltenen Fällen sind einzelne Tests nicht auswertbar, meist wegen unzureichender DNA-Qualität oder -Menge. Wir garantieren Ergebnisse für mindestens 95% aller Tests.

Anmerkungsziffern

Detaillierte Informationen zu den Anmerkungsziffern finden Sie hier:

<https://shop.labogen.com/anmerkungen-info-hund>



Erläuterungen zur Fellfarbgenetik

Eine Hilfe zur Interpretation der genetischen Varianten finden Sie hier:

<https://shop.labogen.com/fellfarbgenetik-hund>



Das Methoden-Abkürzungsverzeichnis finden Sie unter www.laboklin.com in der Rubrik "Leistungen".

Die Untersuchungsergebnisse beziehen sich auf das uns eingesandte Probenmaterial. Dieses war untersuchungsfähig, sofern nichts anderes angegeben ist. Die Richtigkeit der Angaben zu den Proben verantwortet der Einsender. Dieser Prüfbericht darf nur vollständig und unverändert weitergegeben werden. Abweichende Vorgehensweisen bedürfen der schriftlichen Genehmigung der Laboklin GmbH & Co. KG. Hinweis: Wer die in diesem Dokument aufgeführten Daten absichtlich so speichert oder verändert, dass bei ihrer Wahrnehmung eine unechte/verfälschte Urkunde vorliegen würde, oder derart gespeicherte oder veränderte Daten gebraucht, macht sich strafbar und muss mit juristischen Konsequenzen rechnen.

LABOKLIN ist ein nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 akkreditiertes Labor, mit Nummern D-PL-13186-01-01, D-PL-13186-01-02 und D-PL-13186-01-03. Diese Akkreditierung bezieht sich auf alle in der Akkreditierungsurkunde aufgeführten Prüfverfahren.


Hr. Dipl.-Ing. Fabian Keller
Abt. Molekularbiologie

*** ENDE des Befundes ***



Laboklin App